geranylgeranyl diphosphate

taxa-4(5),11(12)-diene

taxa-4(20), 11(12)-dien-5 $\alpha$ -ol

Taxa-4(20),11(12)-dien-5 $\alpha$ -yl acetate  $R_1 = H, R_2 = H$ baccatin III:  $R_1 = H, R_2 = Ac$ Taxol:  $R_1 = N$ -Bz phenylisoserinyl

 $R_2 = Ac$ 

putative taxadien-pentaol monoacetate derived from taxadien-5α-yl acetate Tryptic Peptide Fragment

Peptide Sequence

TTLQLSSIDNLPGVR
ILVYYPPFAGR
FTCGGFVVGVSF
KGLAEIARGEVK
NLPNDTNPSSGYYGN

Figure 3

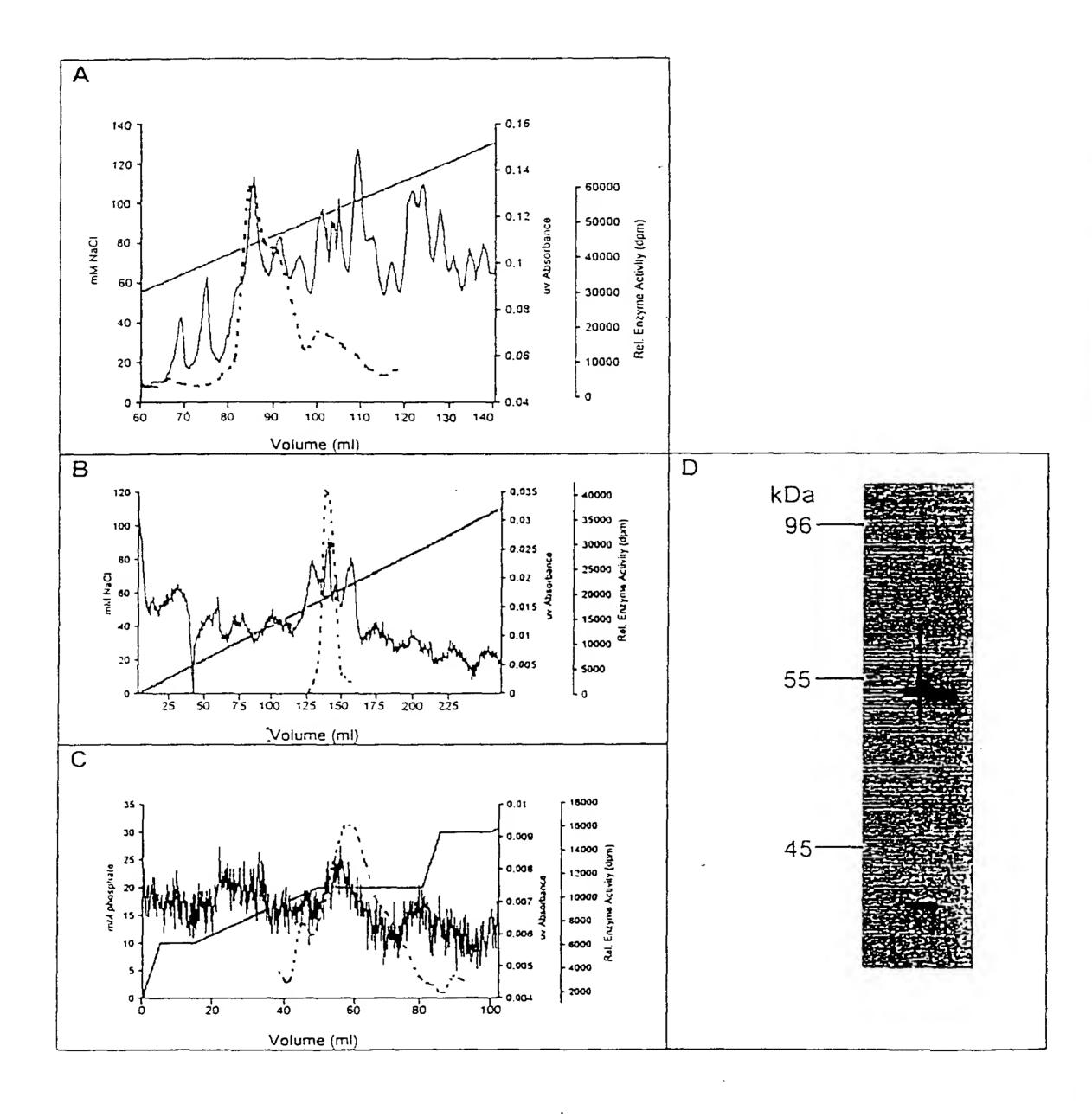


Figure 4

FROM	PEPTI	DE F	RAGM	ENT	SEQU	JENCE	E 2		
NH2-	I	L	v	Y	Y	P	<u>p</u> _	-COOH	
5′	ATI	CTI	GTI	TAT	TAT	CCI	CC	3′	AT-FOR1
		Т	С	С	C	С			(SEQ ID NO: 34)
			А			А			
NH2-	Y	Y	P	P	F	A	G	-COOH	
5′	TAT	TAT	CCI	CCI	TTT	GCI	GG	3 ′	AT-FOR2
	С	С	С	С	С	С			(SEQ ID NO: 35)
	Č		A	А		A			
FROM	SEQUI	ENCE	HOM	DLOG	Y CO	NSID	ERA:	rions	
NH2-	F	Y	P	F	A	G	R	-COOH	
5′	TTC	TAT	CCI	TTC	GCI	GGI	AG	3 ′	AT-FOR3
	т	С		Т	С	С			(SEQ ID NO: 36)
	-				А	A			
NH2-	Y	Y	P	L	A	G	R	-COOH	
5 '		TAT	CCI	TTI	GCI	GGI	AG	3 ′	AT-FOR4
_	Т	С		С	С	С	С		(SEQ ID NO: 37)
	1	C		·	A	_			
NH2-	D	F	G	W	G	K	P	-COOH	
3 '	CTA		CCI		CCI	TTT	GG	5 '	AT-REV1
_	G				C				(SEQ ID NO: 38)
	G	J	A		A				

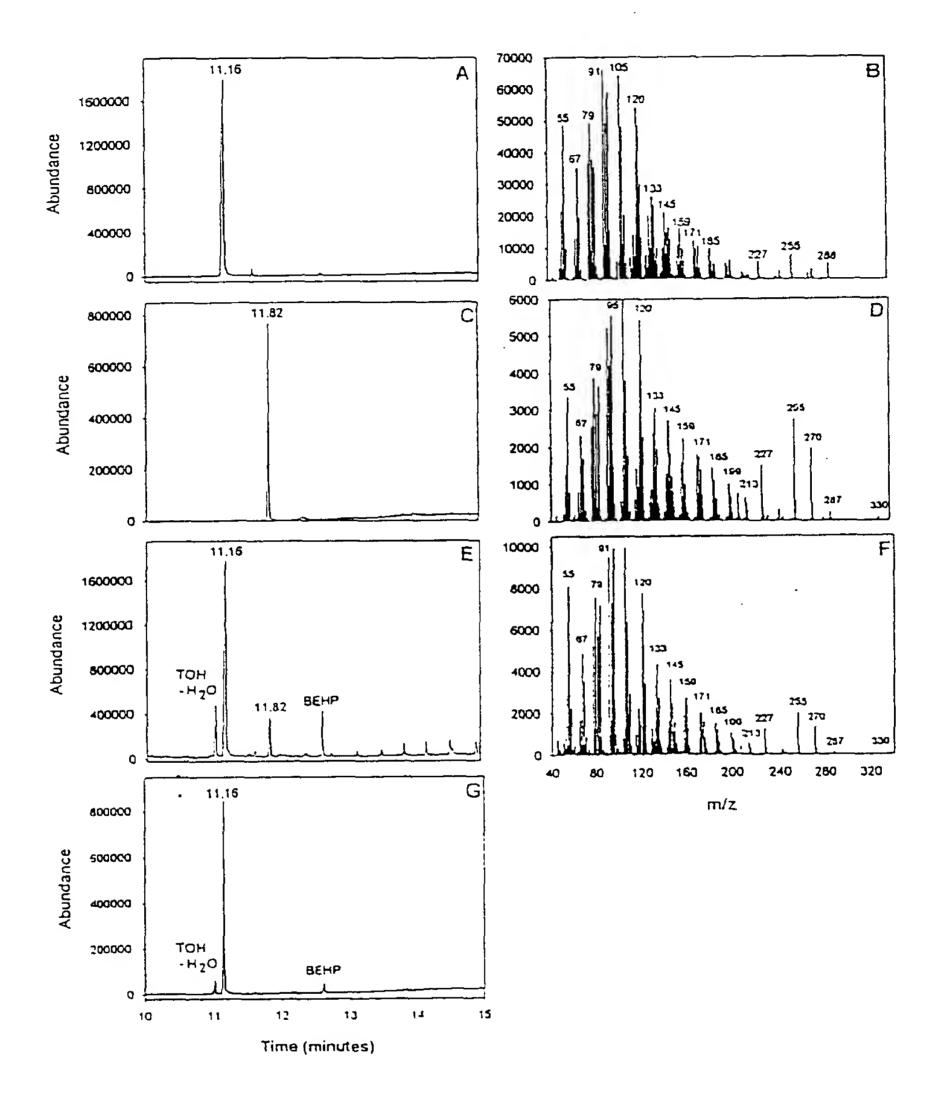


Figure 6 page 1 of 5

0 0 0 4 4 0 0 0 7 0 0 0 4 4 0 0 0 0 0 0	TA: TA: ab615 ab615 ab952	ab064 ab103 ab103 ab103	ad12 aa20 aa64 aa64	TAX1 TAX2 nab61522 nab61523 nab95293 nab97723 nac17079 nac18062 nac27152
579 · · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	22 X X X X X X X X X X X X X X X X X X		2 2 2 2 2	
				· · · <b>&gt;</b> · · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
				· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·				
			• • • •	
				· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
			· · · ·	
			· · · · ·	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·				
				D
<del>.</del> .	: : : : :		· · · · ·	🛪
•				🚊
				Q
			· · · ·	*
				<del>.</del>
z x	1 T · · · CI			
· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	<del>-</del>			· · · <b>- ·</b> · · · · · ·
・	• × × · ~ t			· · · × · · · · · · · · · · · · · · · ·
	366 66			👱
2 < 4 × × × × × × × × × × × × × × × × × ×				· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
************************************				
	→ p u · u ऱ			
	= M X · > 0			
X > 0 > > > 0 > 0 > 0 > 0 > 0 > 0 > 0 >	1 D S . C S			· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
<ul><li>&lt; S (</li></ul>	S C · S C			
, a			 	
т				Ω
HOHE MONTH				
147 20 20 20 20 20 21 21 22 22 23	25			0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0

::

TAX1 DLEVEGTGE TAX2 DLEVEGTGE TAX2 DLEVEGTGE TGE anh61522	TAX1 KTT FO A 8 F I TAX2 KH I AH A 8 F I AA 6 15 2 Z KH I AH A 8 F I AA 6 15 2 Z KH I AH A 8 F I AA 6 15 2 Z KH I AH A 8 F I AA 6 15 2 Z KH I AH A 8 I L AA 6 15 2 Z KH I AH A 8 I L AA 6 17 0 Z H L L AA 6 17 0 Z H L L AA 6 17 0 Z H L L L AA 6 17 0 Z H L L L AA 6 17 0 Z H L L L AA 6 17 0 Z H L L L AA 6 17 0 Z H L L L AA 6 17 0 Z H L L AA 6 17 0 Z H L L AA 6 18 0 Z H L L AA 6 18 0 Z H L L AA 6 18 0 Z H AA 6 8 D AA 6 S Z H
GAMELDAMAD MEDS GAVEVBAMAD MEDS GAVETEARVOH	D HIPGVRGSIE HALLI  HIPGVRGSIE HALLI  HILSCHYIGA LLEYA  P HLSCHYIGKG CLETC  D DIIGARVETP SVYEY  D QILHFDV CECYK  D QILHFDV QIVHE  D QUCCEGLRF QIPVI  D HILPPVYTVA FLEYI  D HILPPVYTVA FLEYI  S HLDRQCPLLH YSVEE
LGD. F DDSHPSFQ.Q LQD. F HEYDPSFQ.Q II.EH. PHPH. ELHKL FLKC. PVPE. SLELL VINGI DVPD. VVXEF LHLY. DPDE. SIAKL LHLY. DPDE. SIAKL LGD. L VYPHPAHLPLI LKY. ELRS. YARDL FKD. F S. PTPEFEHL FRODEL QPPFPCLE. E FWDTL PYSLSSHQHH FGD. F R. PHDELHRV FLRH. LHTD. SLSGF LGDLT QYHEFYEHLV	YHASP SPTHISADP.  YHASO RVS.VSADP.  ADPQH LLGFSTEET.  ADPQH LLGFSTEET.  PSTHH RESFY  KRPLHFTHTVA. E TLSDH9DIT.  FRPHK EFPPEHV  YDKPS ESFQGHV  KAHGK HLDDP.  YKQFD HH.EDH1HPS  XHDLISQEHT.  YKHTT TROFDSV
LUFBLPLDTH F  LVFHLREDVH I  HPFEFHEVSD VP.  IPVENKS NE.  FTYDRNVS YE.  FRHPGEENYK I  VPIKKHG  VGLSGFL SE.  VTSQLQ.SLP KD.  VLPKRVTVGS ED.  H.PQVHYKHP IE.  VALBLVPEIE IDY  LLYDVPDSAG V  HVPTCDYSKG IS.  LPTLNAGES.	
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	
2	RU-EN CTENC 90 RU-EN CTENC 90 RU-EN CTSSSG 86 RU-EN CTSSSG 86 RU-N GT

CAACOST DE LOGREE LE CHERRE RECENT CAACOST D GELA TSAYLET TOVVI CAACOST DE LE CHERRE LE CHEVEL DOMVII CAACOST GEVERDIKS GLIEV NSKID CABOGAZZ GEE PEVES LEHELLOGKI HKSQ. CABOOTS REPAIRELLOGKI HKSQ. CABOOTS QEESTDSDSN ITSKYVL CABOOTS LIKQAHHTYO EQHRNLELED SGEVI
ETIMI RAGDIKRIKO CUBFE GPSEWSALAR OUBFE SOLOISTURO TLBIL SREQUITIKO TRBVE EASKWEDDRT KRIFEL HGDALESHKK
5 H . H K E C

caa64636

458 460 455 445 435 435 331

450 572 451

402 439

461

aad12025

aac 1806 2

aac17079

aab97723

aab61522

.0111	== ==	1,1111
H	ı	13:11.
,6434	Į	4111
	W.	
41111	Hin	1
1111111		-
4	<b>.</b>	3
1000	22 22	Ture!
::	:	
.11111.	<u></u> =::	140134
	#uu#;	11111
111115	Ŧij.	,,,,,,
	¥111.4	13. sac
	=== ===	47.77

----

Figure 7

Figure 8

geranylgeranyl diphosphate 
$$taxa-4(20),11(12)$$
-dien-5 $\alpha$ -ol  $taxa-4(20),11(12)$ -dien-5 $\alpha$ -yl acetate

HO OH OBZ

 $taxa-4(20),11(12)$ -dien-5 $\alpha$ -ol  $taxa-4(20),11(12)$ -dien-5 $\alpha$ -yl acetate

 $taxa-4(2$ 

B
$$\frac{5}{2\sqrt{20}}$$
 $\frac{5}{20}$ 
 $\frac{5$ 

Figure 9

Print Just and Cone and they are

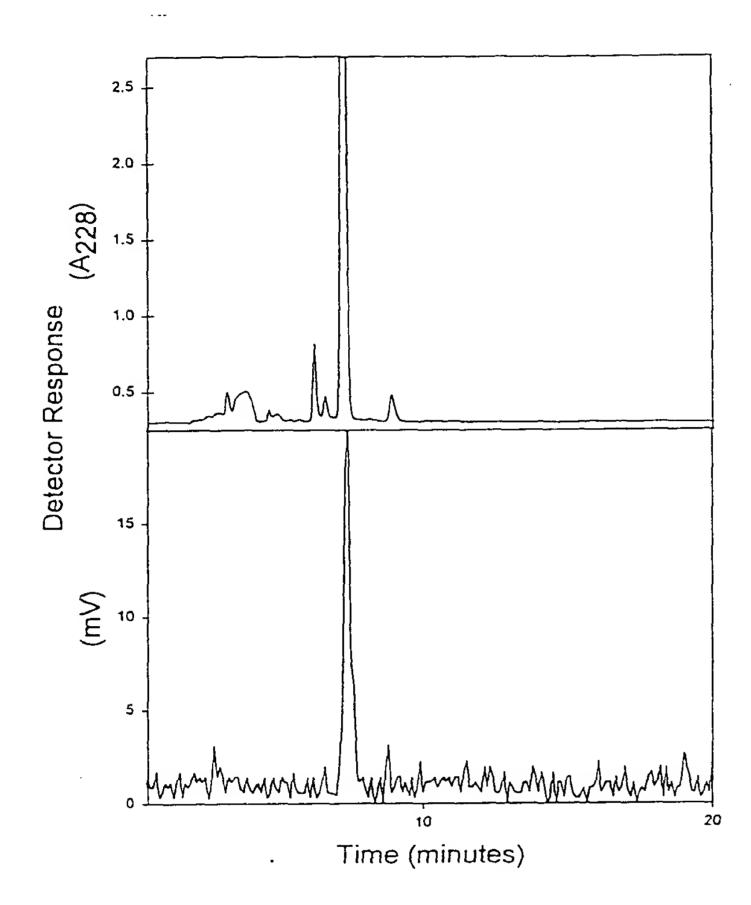


Figure 10

The state of the s

Or B. H. Stage some come come come to the C. B. H. Stage good! Norg. H. H. T. Brench Stage county Stage.

